

کیت تشخیص کیفی ویروس SARS-CoV-2 بر اساس تکنیک ریل تایم پی سی آر

۵) سایر تجهیزات و مصرفی های لازم

توضیحات	تعداد	دستگاه / مصرفی
یکی برای تهیه PCR mix و دیگری برای اضافه کردن RNA ویروسی و کنترل ها است.	۲ عدد	ورک استیشن (کابینت PCR)
هر یک ست در زیر هر ورک استیشن قرار داده شود.	۲ ست	ست سمپلر با حججهای مختلف
هر کدام در زیر هر ورک استیشن قرار داده شود.	۲ عدد	مینی اسپین / ورتکسر
به منظور سانسرفیوژن کردن استریب تیوبها یا پلیت حاوی واکنش PCR قبل از قرار دادن در دستگاه Real-time PCR استفاده می شود.	۱ عدد	مینی اسپین یا روتور استریب خورا یا سانسرفیوژن پلیت خور
دستگاه دارای قابلیت خوانش در حداقل ۳ کانال FAM، HEX یا Texas red با معادل طول موج آن ها باشد.	۱ عدد	دستگاه Real-time PCR
برای حمل و نگهداری بافرها و نمونه های RNA در حین کار استفاده می شود.	به تعداد لازم	کول رک (کریو رک)
بر اساس نوع دستگاه Real-time PCR از نوع سفید یا شفاف استفاده می شود.	به تعداد لازم	استریب تیوب یا پلیت مخصوص Real-time PCR
به منظور تمیز کردن سطوح و تمامی وسایل استفاده می شود.	به مقدار لازم	اسپری حاوی محلول از بین برنده نوکلئازها
باید عاری از DNase و RNase باشند.	به تعداد لازم	سرسمپلر فیلتر دار در حججهای مختلف

۶) ایمنی زیستی

- در حین کار با نمونه های بالینی حتما از وسایل حفاظتی (مثل دستکش، گان، ماسک و عینک محافظ) استفاده شود.
- کار با نمونه های بالینی، حتما در زیر هود میکروبیولوژیکی کلاس ۲ یا بالاتر انجام گیرد.
- تمامی مراحل انجام کار باید توسط افراد آموزش دیده انجام شود.
- دور ریختن بافرها، ریجنتها و نمونه ها بر اساس مقررات و گایدلاین های مربوطه انجام شود: <https://www.cdc.gov/coronavirus/2019-nCoV/lab/lab-biosafety-guidelines.html>

۷) نمونه های بالینی مورد استفاده

سوآب گرفته شده از نازوفارنکس (NPS) و یا اوروفارنکس (OPS)

✓ نمونه گیری بر اساس گایدلاین CDC انجام شود:

(<https://www.cdc.gov/coronavirus/2019-ncov/lab/guidelines-clinical-specimens.html>)

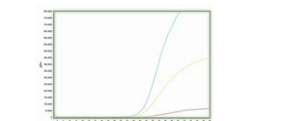
- ✓ نمونه های گرفته شده را می توان تا قبل از ۴۸ ساعت در دمای ۲- تا ۸- درجه سانتیگراد نگهداری نمود. در غیر اینصورت، نمونه ها در دمای ۷۰- درجه سانتیگراد یا کمتر نگهداری شوند.
- ✓ RNA ویروسی استخراج شده از نمونه های بالینی را می توان به مدت یکماه در دمای ۲۰- درجه سانتیگراد نگهداری نمود و بعد از آن به دمای ۷۰- درجه سانتیگراد انتقال داد.
- ✓ کارایی و پرفورمنس کیت باسنگی به مقدار و کیفیت RNA استخراج شده دارد. بنابراین، پیشنهاد می شود از یک کیت یا یک روش استخراج RNA ویروسی مناسب (چه دستی و چه اتوماتیک) استفاده شود.



۱) نمونه گیری از نازوفارنکس یا اوروفارنکس



۲) استخراج RNA ویروسی



۳) تشخیص مولکولی SARS-CoV2

۸) محدودیت های تست

- ✦ هرگونه تغییرات در پروتکل پیش رو ممکن است باعث ایجاد خطا در نتایج حاصله شود.
- ✦ تست حاضر باید توسط افراد متخصص آموزش دیده انجام شود.
- ✦ نتایج قابل اطمینان بستگی به جمع آوری، حمل، ذخیره و نگهداری مناسب دارد.
- ✦ کیت Delta vGenome صرفاً برای انجام تست بر روی نمونه های ژنوم ویروس استخراج شده است. این تست نباید به طور مستقیم بر روی نمونه های بیمار انجام شود. قبل از انجام تست، حتما باید با استفاده از یک روش مناسب استخراج RNA از نمونه انجام شود.
- ✦ مهارکننده های موجود در حین استخراج RNA می تواند مانع از انجام واکنش نسخه برداری معکوس و یا تکثیر cDNA شوند.

۱) مقدمه

کرونا ویروس ها خانواده ای نسبتاً بزرگی از RNA ویروس های پوشش دار هستند که باعث بیماری های مختلفی از جمله سرماخوردگی، بیماری سندرمد حاد تنفسی (SARS) و سندرمد تنفسی خاور میانه (MERS) می شوند (1). در اواخر سال ۲۰۱۹ یک کروناویروس جدید در ووهان چین شناخته شده است که باعث ایجاد بیماری COVID-19 در انسان می شود (2,3). علایم شایع بیماری COVID-19 شامل تب، سرفه و تنگی نفس می باشد که در موارد شدیدتر می تواند باعث پنومونی، سندرمد حاد تنفسی، نارسایی کلیه و در نهایت مرگ شود (4). در ماه مارس سال ۲۰۲۰ سازمان بهداشت جهانی (WHO) اعلام کرد که طغیان COVID-19 به صورت یک پاندمی شده است و از این وضعیت ابراز نگرانی کرد. در ماه ژوئن ۲۰۲۰ ژنوم این ویروس توالیابی شد (GenBank accession number: MN909847) و مشخص گردید که این ویروس شباهت زیادی به ویروس کرونا عامل SARS دارد. به همین دلیل SARS-CoV-2 نامیده شد (5,6). از روی ژنوم این کروناویروس ها حداقل ۱۵ پروتئین ساختاری و غیرساختاری کد می شود (7). مطالعات مختلف نشان داده اند که پروتئین های ساختاری و غیر ساختاری کرونا ویروس ها در روند پاتوژنز دخیل هستند (8). غشای این ویروس ها که دارای پروتئین های S، M، E (Envelope) است- نوکلئوکسپید ویروس را احاطه می کند. نوکلئوکسپید از پروتئین N تشکیل شده است که توسط ژنی به همین نام در ژنوم ویروس کد می شود (7). یکی از ضروری ترین اولویت های که به منظور کنترل و درمان های مرتبط با سلامت عمومی مطرح است، موضوع تشخیص دقیق این ویروس می باشد. روش های تشخیصی مولکولی روش هایی با حساسیت و دقت بالا هستند که می توانند در تشخیص این ویروس بکار گرفته می شوند. در حال حاضر، پل تشخیصی ویروس SARS-CoV-2 بر اساس روش RT-PCR Multiplex real-time می باشد (9) که در کشورهای مختلف با استفاده از ست های مختلف پرایمر-پروب طراحی شده برای انواع ژن های ویروسی مانند ژن N، ژن RdRp و ژن E بکار گرفته می شود که جزئیات این روش ها در سایت WHO موجود می باشد (10).

۲) کاربرد کیت

کیت Delta vGenome یک تست تشخیصی In vitro کیفی بر پایه تکنیک RT-PCR real-time Probe-based تک مرحله ای و ماتریکس است که به منظور تشخیص RNA ژنومی کروناویروس SARS-CoV-2 در نمونه های بالینی بدست آمده از افراد مشکوک به بیماری COVID-19 استفاده می شود. نتایج تست مذکور برای تشخیص RNA کروناویروس SARS-CoV-2 گزارش می شود. معمولاً RNA ژنومی کروناویروس SARS-CoV-2 در نمونه های تنفسی در طی فاز حاد عفونت قابل تشخیص است. نتایج مثبت، تاییدکننده وجود RNA ژنومی کروناویروس SARS-CoV-2 و نتایج منفی رد کننده عفونت با SARS-CoV-2 و نتایج باید در ترکیب با یافته های بالینی، شرح حال بیمار و اطلاعات اپیدمیولوژیکی بکار گرفته شوند. لازم به ذکر است که نتایج مثبت حاصل از تست، ردکننده وجود عفونت های باکتریایی و سایر ویروس های همراه نمی باشد. کیت Delta vGenome برای استفاده توسط پرسنل آزمایشگاه آموزش دیده می باشد.

۳) اساس تست

اساس کار کیت حاضر، تکنیک Multiplex probe-based one-step real-time RT-PCR به منظور شناسایی ژنوم کروناویروس SARS-CoV-2 است. در این روش، یک ناحیه در ژن N و یک ناحیه در ژن RdRp ویروسی بعنوان هدف تشخیصی در فرآیند PCR تکثیر می شوند. برای این منظور، ابتدا RNA ژنومی استخراج شده در یک تیوب تبدیل می شود و cDNA می شود و بدینال آن، در همان تیوب واکنش تکثیر اهداف ژنومی انجام می شود (تک مرحله ای). در هر تیوب، به منظور شناسایی ناحیه هدف از دو ست پرایمر و پروب اختصاصی الیگونوکلئوتیدی استفاده می شود. این پروبها که در سمت 5' دارای رنگهای فلوروسنت (فلوور) مختلف و در سمت 3' دارای یک خاموش کننده (کوتینجر) هستند. یکی از پروبها دارای رنگ سبز (FAM) و دیگری رنگ زرد (HEX) است که هر کدام از آن ها می توانند نواحی مختلفی از ژن های N و RdRp ویروس را تشخیص دهند. با این وجود، بدلیل وجود کوتینجر رنگ فلوروسنتی آزاد نمی شود. حین انجام PCR در صورت وجود ژنوم هدف، پرایمرها و پروبهای اختصاصی به نواحی مربوطه متصل می شوند. به منظور تکثیر cDNA هدف، آنزیم پلیمرز فعال شده و شروع به سنتز رشته های جدید می کند. در حین سنتز رشته های جدید، این آنزیم با استفاده از فعالیت اگزونوکلئازی باعث هیدرولیز پروب های متصل شده به نواحی هدف مربوطه شده و در نتیجه کوتینجر از فلور جدا شده و در نتیجه رنگ های فلوروسنت مختلف آزاد می شوند که دستگاه Real-time PCR قادر به خوانش و ثبت آن می باشد. در نهایت بعد از پایان واکنش PCR نتایج با استفاده از نرم افزار مربوطه آنالیز می شوند. لازم به ذکر است که در کیت حاضر از یک ست پرایمر و پروب دیگر دارای رنگ قرمز فلوروسنت Texas red جهت شناسایی بخشی از ژن RNaseP انسانی بعنوان کنترل داخلی استفاده می شود. این کنترل داخلی جهت ارزیابی فرآیند نمونه گیری و استخراج ژنوم ویروس کاربرد دارد.

۴) محتوای کیت

کیت حاضر برای انجام ۱۰۰ تست تشخیصی است و دارای اجزای زیر می باشد:

مقادیر	ریجنت ها*
۱ تیوب X ۱۰۰ میکرولیتر	20X RTase Mix
۱ تیوب X ۱۴۰۰ میکرولیتر	SARS-CoV-2 Master Mix
۱ تیوب X ۱۰۰ میکرولیتر	Positive Control
۱ تیوب X ۱۰۰ میکرولیتر	No Template Control (Nuclease-Free Water)

* توجه:

- ✓ تمامی اجزای کیت در دمای ۱۵- تا ۲۵- درجه سانتیگراد نگهداری شوند.
- ✓ تاریخ انقضای کیت بر روی آن درج شده است.
- ✓ تا حد امکان از ذوب و فریز شدن اجزای کیت خودداری شود (کمتر از ۵ بار).
- ✓ در صورت نگهداری کیت در دمای ۴ درجه سانتیگراد، در کمتر از یک هفته استفاده شود.
- ✓ در صورت نیاز از هر کدام از اجزا بر اساس نیاز الیکوت تهیه شود.
- ✓ محلول Mastermix حاوی پرایمر و پروب نشاندار شده با مواد فلوروسنت است و تا حد امکان در معرض نور مستقیم قرار نگیرد.
- ✓ حتما قبل از استفاده از هر کدام از محلول های موجود در کیت، ورتکس/ اسپین انجام شود.

۹-۱) در زیر یک ورک استیشن، اجزای کیت را مطابق جدول زیر درون یک میکروتیوب عاری از نوکلئاز با یکدیگر مخلوط نمایید تا میکس واکنش PCR بدست آید.

اجزای واکنش*	حجم**
20X RTase Mix	۱ میکرولیتر
SARS-CoV-2 Master Mix	۱۴ میکرولیتر
حجم نهایی ۱۵ میکرولیتر	

قبل از انجام تست تمامی اجزای کیت به مدت ۱۵ دقیقه در دمای ۴ درجه سانتیگراد قرار داده شوند تا به آرامی نوب شوند. استفاده از کرایورک به منظور نگهداری محلول‌ها در این مرحله پیشنهاد می‌شود. سپس برای حل کردن و هموژن کردن محلول‌ها از ورکنس استفاده شود. در مرحله بعد تمامی محلول‌ها اسپین شوند تا در صورتی که قطرات محلول روی درب تیوب‌ها باشد به ته میکروتیوب کشیده شود.

مقادیر آورده شده در جدول به ازای یک نمونه (یک واکنش) هستند. در صورت استفاده از بیش از یک نمونه، تمامی مقادیر ضربدر تعداد نمونه‌ها شود. لازم به ذکر است که به ازای هر ۱۶ نمونه یک واکنش اضافی در نظر گرفته شود.

۹-۲) به ازای هر نمونه، مقدار ۱۵ میکرولیتر از میکس واکنش را به هر چاهک از پلیت مخصوص Real-time PCR (یا هر تیوب از استریپ تیوب اتا‌تای) اضافه نمایید.

۹-۳) در زیر یک ورک استیشن دیگر مقدار ۵ میکرولیتر از هر یک از RNA استخراج شده‌ی ویروسی را به میکس مرحله‌ی قبل اضافه و اسپین نمایید.

تکات: در این مرحله، بطور موازی مقدار ۵ میکرولیتر از هر کدام از کنترل‌های مثبت و کنترل منفی (آب عاری از نوکلئاز) موجود در کیت را نیز به‌صورت جداگانه به چاهک حاوی میکس واکنش اضافه شوند.

در حین انجام کار به‌منظور حفظ کیفیت RNAهای استخراج شده، پس از خارج کردن آن‌ها از فریزر، آن‌ها را بروی کرایورک مخصوص حمل و نگهداری نمایید.

۹-۴) واکنش‌ها را به دستگاه Real-time PCR منتقل کرده و برنامه‌ی آورده شده در جدول زیر را اجرا نمایید.

سیکل	مرحله	دما (درجه سانتیگراد)	زمان (ثانیه)
۱ ×	تسخیرداری معکوس (سنتر CDNA)	۵۰	۶۰۰
۱ ×	فعال شدن آنزیم پلیمراز	۹۵	۳۰۰
۴۵ ×	باز شدن رشته‌های cDNA الگو	۹۵	۱۰
	چفت شدن پرایمرها و سنتز رشته‌های جدید	۵۵	۳۰*

* خوانش فلوروسنت در کانال‌های FAM، HEX و Texas red در این مرحله انجام شود و در صورت نیاز Passive reference dye (ROX) در حالت خاموش قرار داده شود (بعنوان مثال در دستگاه‌های ساخت کمپانی Applied Biosystems یا دستگاه‌های مشابه).

۹-۵) بعد از انجام PCR، تفسیر نتایج بر اساس جدول زیر انجام شود.

تفسیر	Texas Red	HEX	FAM
وجود RNA ویروس SARS-CoV-2 در نمونه (جواب تست مثبت است)	±	+	+
نمونه فاقد RNA ویروس SARS-CoV-2 (جواب تست منفی است)	+	-	-
نمونه گیری به درستی انجام نشده است (تکرار آزمایش).	-	-	-
استخراج به درستی انجام نشده است (تکرار آزمایش).	-	-	-
احتمال وجود مهارکننده ی PCR در نمونه ی استخراج شده (تکرار آزمایش)	±	-	-
در صورت مشاهده مقادیر Ct کمتر از ۳۵ جواب تست مثبت است و در صورت مشاهده مقادیر Ct بیشتر از ۳۵ آزمایش باید تکرار شود.	±	+	-

○ مقادیر Ct (Cq) کمتر از ۳۵ بعنوان مثبت از نظر وجود ویروس و مقادیر بزرگتر از ۴۰ بعنوان منفی از نظر وجود ویروس در نظر گرفته شوند. لازم به ذکر است که مقادیر Ct بین ۳۵ تا ۴۰ بدون نتیجه‌گیری (Inconclusive) است. در چنین مواقعی پیشنهاد می‌شود آزمایشات بر روی نمونه تکرار شود.

○ پروب شناسایی کننده‌ی ژن N با رنگ فلوروسنت FAM، پروب شناسایی کننده‌ی ژن RdRp با رنگ HEX و پروب شناسایی کننده‌ی ژن RNase P با رنگ Texas red نشاندار شده است.

○ کیت حاضر دارای ۲ نوع نمونه‌ی کنترل مثبت و منفی است. مقادیر Ct هر سه کانال FAM، HEX و Texas red برای کنترل مثبت کمتر از ۳۵ می‌باشند. نمونه‌ی کنترل منفی کیت حاضر آب عاری از نوکلئاز است که بعنوان No template control (NTC) در نظر گرفته می‌شود. در صورت وجود آلودگی ریجنت‌های کیت با RNA ویروسی یا آلودگی‌های تکنیکی در حین آماده سازی واکنش PCR، ممکن است که رنگ فلوروسنت در کانال‌های مذکور توسط دستگاه خوانش شود. در صورت مشاهده‌ی مقادیر Ct برای نمونه‌ی NTC پیشنهاد می‌شود تا آزمایشات تکرار شوند.

۱۰) ارزیابی عملکرد کیت

کیت Delta vGenome از نظر بالینی و آنالیتیکی مورد ارزیابی قرار گرفت که بخشی از نتایج این ارزیابی‌های در زیر آورده شده است.

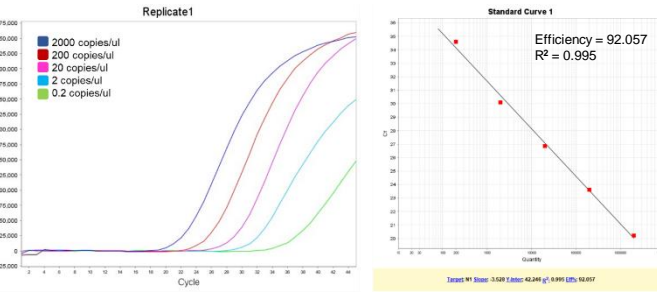
۱۰-۱) ارزیابی بالینی

RNA ژنومی تعداد ۱۵۰ نمونه‌ی بالینی بررسی شده از قبل با استفاده از یک کیت تجاری موجود (شامل ۱۰۰ نمونه‌ی مثبت از نظر وجود کروناویروس SARS-CoV-2 و ۵۰ نمونه‌ی منفی) با استفاده از کیت حاضر مورد بررسی قرار گرفتند. نتایج ارزیابی بالینی در زیر آورده شده است:

تشخیص ویروس با استفاده از کیت استاندارد	تعداد	تشخیص با استفاده از کیت Delta vGenome	حساسیت اختصاصیت (NPA)	حساسیت (PPA)
مثبت از نظر وجود SARS-CoV-2	۱۰۰	۱۰۰	۱۰۰٪	۱۰۰٪
منفی از نظر وجود SARS-CoV-2	۵۰	۵۰	۱۰۰٪	۱۰۰٪

۱۰-۲) ارزیابی حساسیت آنالیتیکال

حد تشخیص (Limitation of detection, LOD) کیت تشخیصی حاضر با استفاده از انجام تست Real-time PCR بر روی شش سریال رقت از نمونه‌ی استاندارد ژنوم کروناویروس SARS-CoV-2 (تهیه شده از آنتیبتیو پاستور ایران) با غلظت اولیه ۲۰۰۰ copies/ul به عنوان الگوی ژنومی بررسی شد (شکل زیر). ضریب رقیق سازی نمونه‌ها ۱/۱۰ در نظر گرفته شد. لازم به ذکر است که این آزمایش در ۱۵ تکرار انجام شد. نتایج حاصل از آزمایشات نشان داد که LOD تست حاضر معادل رقت پنجم یعنی تعداد ۰/۲ copies/ul معادل ۲۰۰ کپی از ویروس در میلی‌لیتر است.

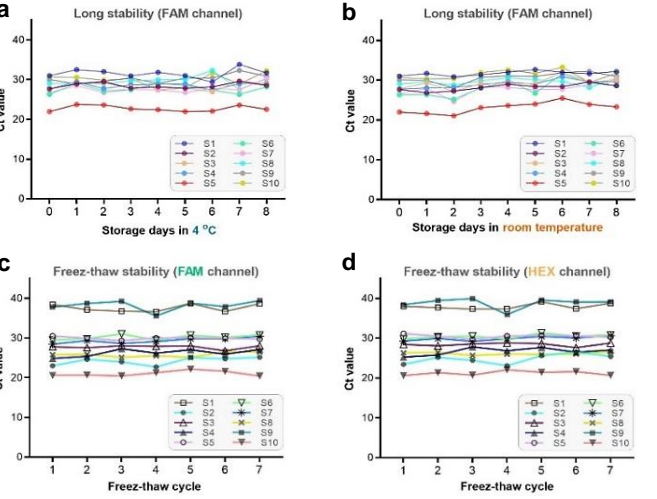


۱۰-۳) ارزیابی اختصاصیت آنالیتیکال

به منظور ارزیابی اختصاصیت آنالیز *in silico* Cross reactivity آنالیز پرایمرها و پروب‌ها در مقابل توالی‌های ثبت شده از ژنوم ویروس‌های شبیه SARS-CoV-2، پاتوژن‌هایی که علائم مشابه با بیماری COVID-19 ایجاد می‌کنند و همچنین میکروارگانیسم‌های فلور نورمال انجام شد. به منظور تعیین *In vitro* اختصاصیت، ارزیابی Cross reactivity کیت حاضر با استفاده از یکسری از آزمایشات بر روی یک پنل از میکروارگانیسم‌های شامل Influenza B virus، Influenza A virus، Human Coronavirus OC43، Human Coronavirus NL63، Rhinovirus، Klebsiella، Enterococcus، Staphylococcus، Pseudomonas، Respiratory syncytial virus، Mycoplasma انجام گرفت (Wet lab). نتایج نشان داد که هیچکدام از میکروارگانیسم‌های مورد بررسی با عملکرد کیت تداخلی ندارند و نتایج مثبت کاذب حاصل نمی‌شود.

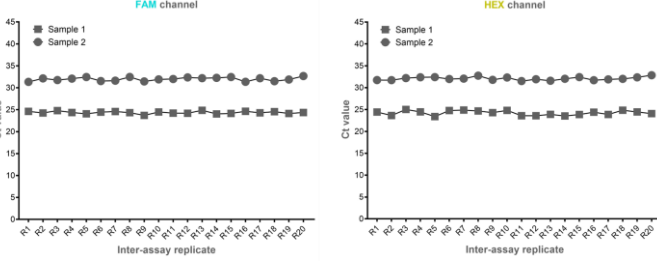
۱۰-۴) ارزیابی پایداری

اجزای کیت به مدت یک هفته در دمای ۴ درجه‌ی سانتیگراد و دمای محیط (۲۵ درجه سانتیگراد) قرار داده شدند. در این دوره‌ی زمانی، هر یک روز عملکرد کیت بر روی ۱۰ نمونه‌ی بالینی (دارای Ct‌های مختلف) در مقایسه با روز صفر در دو کانال FAM و HEX مورد ارزیابی قرار گرفت. نتایج حاصل از آنالیز کمی Ct‌های حاصل در روزهای مختلف نشان داد که اختلاف معناداری از نظر آماری بین هر یک از روزها و روز صفر وجود ندارد (شکل a و b). نتایج این آزمایشات برای کانال FAM در زیر آورده شده است. بعلاوه، کیت حاضر به تعداد ۷ بار فریز و ذوب (Freeze-thaw) در هر بار ۱۰ نمونه‌ی بالینی الیکوت شده با Ct‌های مختلف (هر نمونه بعنوان تکرار مستقل) مورد ارزیابی قرار گرفت. آنالیز نتایج به طور واضح نشان داد که تفاوت معناداری بین این Ct‌های بدست آمده از این ۷ آزمایش وجود ندارد (شکل c و d). بنابراین، می‌توان اینگونه نتیجه‌گیری نمود که کیت حاضر تحت این شرایط دارای عملکرد تشخیصی مطلوب است.



۱۰-۵) ارزیابی تکرارپذیری

تکرارپذیری نتایج حاصل از کیت بر اساس استاندارد CLSI MM17 انجام گرفت (۲ نمونه بالینی با ۲۰ تکرار در روزهای مختلف بصورت دوپلیکیت) که نتایج آن در شکل زیر آورده شده است. داده‌های حاصل از تکرارهای مختلف با استفاده از تست آماری ANOVA آنالیز شدند و نتایج حاصل نشان داد که اختلاف معناداری بین تکرارهای مختلف برای هر کدام از نمونه‌ها وجود ندارد.



1. Cui J, Li F, Shi ZL. Origin and evolution of pathogenic coronaviruses. *Nature reviews Microbiology*. 2019 Mar;17(3):181-92. PubMed PMID: 30531947.
2. Munster VJ, Koopmans M, van Doremalen N, van Riel D, de Wit E. A Novel Coronavirus Emerging in China - Key Questions for Impact Assessment. *The New England journal of medicine*. 2020 Feb 20;382(8):692-4. PubMed PMID: 31978293.
3. Phelan AL, Katz R, Gostin LO. The Novel Coronavirus Originating in Wuhan, China: Challenges for Global Health Governance. *Jama*. 2020 Jan 30. PubMed PMID: 31999307.
4. Huang C, Wang Y, Li X, Ren L, Zhao J, Hu Y, et al. Clinical features of patients infected with 2019 novel coronavirus in Wuhan, China. *Lancet*. 2020 Feb 15;395(10223):497-506. PubMed PMID: 31986264.
5. Lu R, Zhao X, Li J, Niu P, Yang B, Wu H, et al. Genomic characterization and epidemiology of 2019 novel coronavirus: implications for virus origins and receptor binding. *Lancet*. 2020 Feb 22;395(10224):565-74. PubMed PMID: 32007145.
6. Wu F, Zhao S, Yu B, Chen YM, Wang W, Song ZG, et al. A new coronavirus associated with human respiratory disease in China. *Nature*. 2020 Feb 3. PubMed PMID: 32015508.
7. Perlman S, Netland J. Coronaviruses post-SARS: update on replication and pathogenesis. *Nature reviews Microbiology*. 2009 Jun;7(6):439-50. PubMed PMID: 19430490. Pubmed Central PMCID: 2830095.
8. Cascella M, Rajnik M, Cuomo A, Dulebohn SC, Di Napoli R. Features, Evaluation and Treatment Coronavirus (COVID-19). *StatPearls*. Treasure Island (FL)2020.
9. Corman VM, Landt O, Kaiser M, Molenkamp R, Meijer A, Chu DKW, et al. Detection of 2019 novel coronavirus (2019-nCoV) by real-time RT-PCR. *Euro surveillance : bulletin Europeen sur les maladies transmissibles = European communicable disease bulletin*. 2020 Jan;25(3). PubMed PMID: 31992387. Pubmed Central PMCID: 6988269.
10. WHO Coronavirus disease (COVID-19) technical guidance: Laboratory testing for 2019-nCoV in humans, 2020, <https://www.who.int/emergencies/diseases/novel-coronavirus-2019/technical-guidance/laboratory-guidance>.